

PCTWELTORGANISATION FÜR GEISTIGES EIGENTUM
Internationales BüroINTERNATIONALE ANMELDUNG VERÖFFENTLICHT NACH DEM VERTRAG ÜBER DIE
INTERNATIONALE ZUSAMMENARBEIT AUF DEM GEBIET DES PATENTWESENS (PCT)

(51) Internationale Patentklassifikation ⁶ : C12N 9/00	A2	(11) Internationale Veröffentlichungsnummer: WO 99/43791 (43) Internationales Veröffentlichungsdatum: 2. September 1999 (02.09.99)
(21) Internationales Aktenzeichen: PCT/EP99/01159 (22) Internationales Anmeldedatum: 23. Februar 1999 (23.02.99) (30) Prioritätsdaten: 198 08 192.8 27. Februar 1998 (27.02.98) DE (71)(72) Anmelder und Erfinder: RÜTERJANS, Heinz [DE/DE]; Kinzigstrasse 21, D-61352 Bad Homburg (DE). (72) Erfinder; und (75) Erfinder/Anmelder (nur für US): DIERL, Stefan [DE/DE]; Bahnstrasse 4, D-65835 Liederbach (DE). (74) Anwalt: LEIFERT, Elmar; Böhm Rauch Schumacher Krämer & Leifert, Burgplatz 21-22, D-40213 Düsseldorf (DE).		(81) Bestimmungsstaaten: IL, JP, RU, US, europäisches Patent (AT, BE, CH, CY, DE, DK, ES, FI, FR, GB, GR, IE, IT, LU, MC, NL, PT, SE). Veröffentlicht <i>Ohne internationalen Recherchenbericht und erneut zu veröffentlichen nach Erhalt des Berichts.</i>
(54) Title: DIISOPROPYL FLUOROPHOSPHATASE AND THE UTILIZATION AND PRODUCTION THEREOF (54) Bezeichnung: DIISOPROPYLFLUOROPHOSPHATASE SOWIE DEREN VERWENDUNG UND HERSTELLUNG (57) Abstract <p>The invention relates to diisopropyl fluorophosphatase (enzyme classification EC 3.1.8.2.) from <i>Loligo vulgaris</i> and to the base sequence which codes the enzyme. The invention also relates to the additional vectors which contain the inventive DNA sequence and to the cells transformed with the inventive base sequence. The invention provides a method for producing the diisopropyl fluorophosphatase which uses inventive transformed cells. The invention further relates to different uses and areas of application of the DFPase, especially in the decontamination of contaminated habitats, the production of medicaments for treating or detoxifying humans and animals, waterproofing of clothing and use in analytical chemistry.</p> (57) Zusammenfassung <p>Die vorliegende Erfindung betrifft eine Diisopropylfluorophosphatase (Enzymklassifikation EC 3.1.8.2.) aus <i>Loligo vulgaris</i>, und die das Enzym kodierende Basensequenz. Die Erfindung betrifft des weiteren Vektoren, welche die erfindungsgemäße DNA-Sequenz enthalten, sowie mit der erfindungsgemäßen Basensequenz transformierte Zellen. Darüber hinaus betrifft die Erfindung ein Verfahren zur Herstellung der Diisopropylfluorophosphatase, welches sich der erfindungsgemäßen transformierten Zellen bedient. Die Erfindung betrifft auch verschiedene Verwendungsarten und Einsatzgebiete der DFPase, insbesondere die Dekontamination verseuchter Lebensräume, die Herstellung von Arzneimitteln zur Behandlung bzw. Entgiftung von Mensch und Tier, die Imprägnierung von Kleidung und den Einsatz in der Analytik.</p>		

LEDIGLICH ZUR INFORMATION

Codes zur Identifizierung von PCT-Vertragsstaaten auf den Kopfbögen der Schriften, die internationale Anmeldungen gemäss dem PCT veröffentlichen.

AL	Albanien	ES	Spanien	LS	Lesotho	SI	Slowenien
AM	Armenien	FI	Finnland	LT	Litauen	SK	Slowakei
AT	Österreich	FR	Frankreich	LU	Luxemburg	SN	Senegal
AU	Australien	GA	Gabun	LV	Lettland	SZ	Swasiland
AZ	Aserbaidshan	GB	Vereinigtes Königreich	MC	Monaco	TD	Tschad
BA	Bosnien-Herzegowina	GE	Georgien	MD	Republik Moldau	TG	Togo
BB	Barbados	GH	Ghana	MG	Madagaskar	TJ	Tadschikistan
BE	Belgien	GN	Guinea	MK	Die ehemalige jugoslawische	TM	Turkmenistan
BF	Burkina Faso	GR	Griechenland		Republik Mazedonien	TR	Türkei
BG	Bulgarien	HU	Ungarn	ML	Mali	TT	Trinidad und Tobago
BJ	Benin	IE	Irland	MN	Mongolei	UA	Ukraine
BR	Brasilien	IL	Israel	MR	Mauretanien	UG	Uganda
BY	Belarus	IS	Island	MW	Malawi	US	Vereinigte Staaten von
CA	Kanada	IT	Italien	MX	Mexiko		Amerika
CF	Zentralafrikanische Republik	JP	Japan	NE	Niger	UZ	Usbekistan
CG	Kongo	KE	Kenia	NL	Niederlande	VN	Vietnam
CH	Schweiz	KG	Kirgisistan	NO	Norwegen	YU	Jugoslawien
CI	Côte d'Ivoire	KP	Demokratische Volksrepublik	NZ	Neuseeland	ZW	Zimbabwe
CM	Kamerun		Korea	PL	Polen		
CN	China	KR	Republik Korea	PT	Portugal		
CU	Kuba	KZ	Kasachstan	RO	Rumänien		
CZ	Tschechische Republik	LC	St. Lucia	RU	Russische Föderation		
DE	Deutschland	LI	Liechtenstein	SD	Sudan		
DK	Dänemark	LK	Sri Lanka	SE	Schweden		
EE	Estland	LR	Liberia	SG	Singapur		

5

Diisopropylfluorophosphatase sowie deren Verwendung und Herstellung

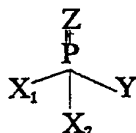
10

Die vorliegende Erfindung betrifft eine Diisopropylfluorophosphatase (Enzym-Klassifikation EC 3.1.8.2., im folgenden DFPase genannt) aus *Loligo vulgaris*, die das Enzym kodierende Basensequenz, sowie die Verwendung des Enzyms und ein Verfahren zu dessen Herstellung in transformierten Zellen.

15

Der Begriff DFPase besitzt eine weite Verbreitung bei der Beschreibung einer Klasse von Enzymen, welche in der Lage sind, Diisopropylfluorophosphat (DFP) und andere phosphororganische Verbindungen mit ähnlicher Struktur zu hydrolysieren. Die Gruppe dieser phosphororganischen Verbindungen läßt sich auf Verbindungen der folgenden Grundstruktur zurückführen:

20



25

Hierin steht Z für Sauerstoff oder Schwefel, Y steht für eine Gruppe, die als H-Y-Verbindung acide Eigenschaften haben kann. Unter anderem sind dies Säureanhydridgruppen (insbesondere eine F- oder CN-Gruppe) oder Estergruppierungen, wie eine Thioester-, eine Enolester- oder eine p-Nitrophenylestergruppe. Bei den Gruppierungen X_1 und X_2 kann es sich um gerad- oder verzweigt-kettige oder cyclische, 1 bis 15 Kohlenstoffatome enthaltende, Alkoxy-, Alkyl-, Aryl-, Alkylamino- oder Dialkylaminogruppen handeln. Eine Vielzahl derartiger Verbindungen sind oder waren als Insektizide im Gebrauch. Andere Verbindungen fallen unter den Begriff der sog. Nervengase. Zu den Nervengasen dieser Verbindungsklasse zählen u. a. DFP, Tabun, Soman, Sarin, Ethylsarin und Cyclosarin.

30

Der Abbau der weltweiten Vorräte dieser hochgiftigen Verbindungen stellt ein zunehmendes Problem dar. Darüber hinaus müssen umweltschonende Methoden gefunden werden, bereits verseuchte Bereiche der Umwelt zu dekontaminieren.

5 Das bisher wichtigste Verfahren zur Vernichtung großer Mengen dieser Substanzen stellt die Verbrennung bei hohen Temperaturen dar.

10 Darüber hinaus beschäftigt sich z. B. US-A-4,666,696 mit der Zerstörung von Nervengasen und anderen Cholinesterase-Inhibitoren durch Reduktion mit geschmolzenem Aluminium.

Weitere Ansätze zur Lösung dieses Problems bestehen z. B. im Einsatz physikalischer Methoden. So beschreibt z. B. US-A-5,550,311 die thermische Zersetzung toxischer Verbindungen (Nervengase) im Wasserstrahl. Ein anderer Ansatz ist in der
15 US-A-5,648,591 beschrieben, in welcher Chemiewaffen, wie z. B. Sarin, durch Desaktivierung in mechanischen Mühlen abgebaut werden. All diese Methoden weisen bereits starke Nachteile bezüglich ihrer Wirtschaftlichkeit und ihres begrenzten Anwendungsspektrums auf. So ist z. B. in all diesen Verfahren die Notwendigkeit gegeben, die entsprechenden toxischen Substanzen bestimmten Apparaten zuzuführen,
20 wodurch z. B. ein Feldeinsatz nur schwer, wenn nicht gar unmöglich ist.

Die biologische Entsorgung der C-Waffenbestände und die Dekontamination durch Mikroorganismen oder Enzyme, die man in großen Mengen herstellen kann, könnte eine Vereinfachung oder einen effektiveren Lösungsansatz dieser Problematik bieten.

25 Den oben beschriebenen Dekontaminationsmethoden steht daher die vorliegende Erfindung gegenüber, deren Hintergrund bereits auf Untersuchungen aus dem Jahr 1953 durch Aldridge aufbaut. Aldridge beobachtete, daß verschiedene Gewebe unterschiedlicher Organismen Enzyme enthalten, die Paraoxon, einen Cholinesterase-Inhibitor, hydrolysieren. Spätere Untersuchungen aus dem Jahr 1966 durch Hoskin
30 und Mitarbeiter zeigten, daß im Tintenfisch *Loligo pealii* ein DFP-spaltendes Enzym enthalten ist. Bis heute folgten zahlreiche Untersuchungen auf diesem Gebiet,

die Sequenzierung oder gar Gewinnung eines rekombinanten Proteins gelang bisher jedoch nicht. Das von Hoskin untersuchte Enzym konnte bezüglich seines Molekulargewichts nicht genau charakterisiert werden. Während Hoskin von einem Molekulargewicht von 26 600 Da ausgegangen ist, halten es andere Forschergruppen z. B.

5 Kopec-Smyth et al. (1993) für wahrscheinlich, daß es sich bei dem 26,6 kDa-Protein nur um ein Fragment eines sehr instabilen 42 kDa Protein handelt. Eine kurze Aminosäuresequenz eines Peptitfragments dieser DFPase wurde 1993 von Ward und Dechamps publiziert. Der dort beschriebene Sequenzabschnitt findet sich nicht in der beanspruchten Aminosäuresequenz der vorliegenden Erfindung wieder, weshalb davon

10 auszugehen ist, daß sich die DFPase aus *Loligo pealii* deutlich von der DFPase der vorliegenden Erfindung unterscheidet.

Außer in *Loligo pealii* wurden ähnliche Proteine in unterschiedlichsten Organismen identifiziert. So fand man sie u. a. in thermophilen oder halophilen Bakterien; in

15 *E. coli*, *Proteus vulgaris*, *Saccharomyces cerevisiae*, *Pseudomonas diminuta*, *Flavobacterium* und dem eukaryontischen Einzeller *Tetrahymena thermophila*, sowie in Insekten und Invertebraten. Ebenso gelang der Nachweis in Säugetieren wie Mäusen, Ratten, Kaninchen, Schweinen und dem Menschen. Trotz der Anstrengung einer Vielzahl von Arbeitsgruppen, die sich mit Enzymen beschäftigen, die in ihrer

20 Spezifität der DFPase aus *Loligo vulgaris* der vorliegenden Erfindung ähneln, gelang es keiner dieser Gruppen, ein der vorliegenden Erfindung entsprechendes Enzym hinsichtlich seiner Aminosäuresequenz und der dieser zugrundeliegenden Basensequenz vollständig klären, die entsprechende Basensequenz mittels eines Vektors in eine Wirtszelle zu transformieren und somit die großtechnische Produktion in hervor-

25 ragender Reinheit zu ermöglichen. Dierl (1995, Dissertation Johann Wolfgang Goethe Universität, Frankfurt/Main) gelang zwar im Rahmen seiner Forschungsarbeit die Aufklärung einer Teilsequenz der DFPase aus *Loligo vulgaris*, Angaben zur Aminosäuresequenz oder Basensequenz sind dieser Arbeit jedoch nicht zu entnehmen. Die von Dierl zur Verfügung gestellte Teilinformation ist unvollständig und eine

30 Nacharbeitbarkeit der dort vorgestellten Ergebnisse ist bereits deshalb nicht möglich, weil der Öffentlichkeit die der Arbeit zugrundeliegende, jedoch nicht öffentlich zugängliche cDNA-Genbank, nicht zur Verfügung steht.

Eine der Aufgaben der vorliegenden Erfindung besteht darin, das komplette und funktionstüchtige DFP-spaltende Enzym aus *Loligo vulgaris* sowie die das Enzym kodierende Basensequenz zur Verfügung zu stellen, um eine großtechnische Produktion gentechnischer Art zu ermöglichen. Eine weitere Aufgabe war es, eine DFPase bereitzustellen, welche ohne Stabilitätsverlust durch fraktionierte Ammoniumsulfatfüllung in technischem Maßstab isolierbar ist und ihr Aktivitätsoptimum bei einem neutralen pH-Wert von etwa 7,5 und Raumtemperatur (etwa 25 C°) besitzt. Hierdurch sollte nicht zuletzt die Aufgabe einer umweltfreundlichen, energiesparenden Entsorgung von Nervengasen und Insektiziden erreicht werden. Des weiteren war die Aufgabe zu lösen, eine lager- und lösemittelstabile DFPase bereitzustellen. So sollte z. B. eine konzentrierte Lösung über längere Zeit bei 4 °C ohne nennenswerten Aktivitätsverlust stabil sein. Auch sollten verschiedene Lösemittel oder lösemittelhaltige wäßrige Medien (z. B. 10 %ige wäßrige ethanolische Lösung) keinen Einfluß auf die Aktivität des Enzyms besitzen. Es war ferner die Aufgabe zu lösen, eine DFPase bereitzustellen, die in verschiedensten Puffersystemen aktiv ist. Die zur Verfügungstellung der DFPase sollte des weiteren eine Dekontaminierung, Detoxifizierung aber auch Detektion von Acetylcholinesterase-Hemmstoffen, die der DFPase als Substrat dienen, ermöglichen. Die Zurverfügungstellung eines derartigen Enzyms soll nicht nur die großtechnische Vernichtung von entsprechenden Nervengasen oder Insektiziden ermöglichen, sondern auch die Möglichkeit eröffnen, verseuchte Lebensräume (Böden, Gewässer etc.) zu dekontaminieren. Auch eine Klonierung in Pflanzen ist hierdurch möglich. Ferner ist denkbar, das Enzym zur Herstellung von Arzneimitteln zur Entgiftung oder Behandlung von Mensch und Tier einzusetzen. Hierbei könnte das Enzym z. B. lokal in Form einer Hautcreme, parenteral in Form einer Infusions- oder Inhalationslösung oder aber peroral eingesetzt werden.

Die genannten Aufgaben wurden durch Bereitstellung einer DFPase der folgenden Aminosäuresequenz gelöst.

5 Met Glu Ile Pro Val Ile Glu Pro Leu Phe Thr Lys Val Thr Glu Asp
1 5 10 15
Ile Pro Gly Ala Glu Gly Pro Val Phe Asp Lys Asn Gly Asp Phe Tyr
20 25 30
Ile Val Ala Pro Glu Val Glu Val Asn Gly Lys Pro Ala Gly Glu Ile
35 40 45
Leu Arg Ile Asp Leu Lys Thr Gly Lys Lys Thr Val Ile Cys Lys Pro
50 55 60
10 Glu Val Asn Gly Tyr Gly Gly Ile Pro Ala Gly Cys Gln Cys Asp Arg
65 70 75 80
Asp Ala Asn Gln Leu Phe Val Ala Asp Met Arg Leu Gly Leu Leu Val
85 90 95
Val Gln Thr Asp Gly Thr Phe Glu Glu Ile Ala Lys Lys Asp Ser Glu
100 105 110
Gly Arg Arg Met Gln Gly Cys Asn Asp Cys Ala Phe Asp Tyr Glu Gly
115 120 125
15 Asn Leu Trp Ile Thr Ala Pro Ala Gly Glu Val Ala Pro Ala Asp Tyr
130 135 140
Thr Arg Ser Met Gln Glu Lys Phe Gly Ser Ile Tyr Cys Phe Thr Thr
145 150 155 160
Asp Gly Gln Met Ile Gln Val Asp Thr Ala Phe Gln Phe Pro Asn Gly
165 170 175
Ile Ala Val Arg His Met Asn Asp Gly Arg Pro Tyr Gln Leu Ile Val
180 185 190
20 Ala Glu Thr Pro Thr Lys Lys Leu Trp Ser Tyr Asp Ile Lys Gly Pro
195 200 205
Ala Lys Ile Glu Asn Lys Lys Val Trp Gly His Ile Pro Gly Thr His
210 215 220
Glu Gly Gly Ala Asp Gly Met Asp Phe Asp Glu Asp Asn Asn Leu Leu
225 230 235 240
Val Ala Asn Trp Gly Ser Ser His Ile Glu Val Phe Gly Pro Asp Gly
245 250 255
25 Gly Gln Pro Lys Met Arg Ile Arg Cys Pro Phe Glu Lys Pro Ser Asn
260 265 270
Leu His Phe Lys Pro Gln Thr Lys Thr Ile Phe Val Thr Glu His Glu
275 280 285
Asn Asn Ala Val Trp Lys Phe Glu Trp Gln Arg Asn Gly Lys Lys Gln
290 295 300
30 Tyr Cys Glu Thr Leu Lys Phe Gly Ile Phe
305 310

Die beanspruchte Diisopropylfluorophosphatase umfaßt hierbei auch Aminosäuresequenzen, die durch eine Deletion, Insertion und/oder Substitution einer oder mehrerer Aminosäuren aus obiger Sequenz ableitbar sind, sofern die DFPase Aktivität erhalten bleibt. Dies schließt selbstverständlich auch eine Verkürzung der amino- und/oder carboxyterminalen Seite ein.

Dieser erfindungsgemäßen Aminosäuresequenz liegt eine erfindungsgemäße DNA-Sequenz zugrunde, die eine DNA-Sequenz umfaßt, welche für die DFPase aus *Loligo vulgaris* kodiert und welche in einer bevorzugten Ausführungsform folgende Basensequenz umfaßt:

ATGGAAATTC	CAGTTATCGA	ACCTCTTTTC	ACAAAAGTGA	CCGAAGATAT	ACCAGGTGCA	60
GAGGGTCCCG	TTTTTGACAA	AAATGGCGAT	TTTATATATCG	TGGCCCCCGA	AGTTGAAGTT	120
AACGGAAAAC	CGGCGGGAGA	AATTCTACGA	ATCGATTGGA	AAACAGGAAA	GAAACTGTG	180
ATCTGCAAAAC	CAGAAGTTAA	TGTTATGGA	GGAATTCCTG	CTGGCTGCCA	ATGTGATCGA	240
GATGCCAACC	AGCTGTTTGT	GGCCGACATG	AGACTCGGCT	TGTTGGTCGT	GCAAACTGAT	300
GGGACCTTTG	AAGAGATTGC	CAAAAAGAC	TCTGAAGGTA	GAAGAATGCA	GGGATGCAAT	360
GATTGCGCAT	TTGATTATGA	AGGTAAGTTG	TGGATCACTG	CACCAGCTGG	GGAAGTCGCA	420
CCTGCAGACT	ACACCCGTTC	AATGCAGGAA	AAATTTGGCA	GTATTTACTG	CTTCACAACA	480
GATGGTCAAA	TGATTCAAGT	GGATACTGCT	TTCCAGTTTC	CAAATGGTAT	TGCTGTTCGT	540
CACATGAACG	ATGGCCGTCC	TTACCAACTA	ATTGTGGCTG	AAACTCCAAC	CAAGAACTC	600
TGGAGTTATG	ATATCAAAGG	TCCAGCAAAG	ATTGAAAACA	AGAAAGTGTG	GGGTCACATC	660
CCAGGTACTC	ATGAAGGTGG	TGCTGATGGA	ATGGATTTTG	ATGAAGACAA	TAACCTTTTG	720
GTAGCCAAC	GGGGGAGCTC	ACACATCGAA	GTGTTCGGCC	CAGATGGGGG	ACAGCCTAAA	780
ATGAGAATCC	GTTGCCCAT	TGAAAAACCC	AGCAACTTGC	ATTTCAAGCC	CCAGACCAAA	840
ACCATTTTTG	TCACGGAACA	CGAGAACAA	GCTGTCTGGA	AGTTTGAATG	GCAAAGAAAT	900
GGCAAAAAAC	AGTATTGTGA	GACGTTAAAA	TTTGAATAT	TT		942

Durch Veränderungen der Basensequenz können z. B. die Substratspezifität, Löslichkeit und/oder Stabilität des Enzyms den auftretenden Problemstellungen angepaßt werden.

Eine weitere Aufgabe der vorliegenden Erfindung besteht darin, einen Vektor zur Verfügung zu stellen, der mindestens eine Kopie einer erfindungsgemäßen DNA-Sequenz enthält. Dieser Vektor kann ein beliebiger prokaryontischer oder eukaryontischer Vektor sein, auf dem sich die erfindungsgemäße DNA-Sequenz vorzugsweise unter Kontrolle eines Expressionssignals befindet. Zu den Expressionssignalen gehören u. a. Promotoren, Operatoren und Enhancer. Promotoren können z. B. ein T7-Promotor oder lac-, tac-, lacUV5- oder P_L-Promotoren sein. Geeignete prokaryontische Vektoren sind z. B. chromosomale Vektoren, wie etwa Bacteriophagen (z. B. Bacteriophage λ) und extrachromosomale Vektoren, wie etwa Plasmide, wobei hierbei zirkuläre Plasmidvektoren bevorzugt sind. Der erfindungsgemäße Vektor kann andererseits auch ein eukaryontischer Vektor sein, z. B. ein Hefektor oder ein für höhere Zellen geeigneter Vektor, wie etwa ein Plasmidvektor oder ein viraler Vektor. Vektoren der bezeichneten Arten sind dem Fachmann auf dem Gebiet der Molekularbiologie geläufig, so daß an dieser Stelle nicht näher darauf eingegangen werden muß. In einer bevorzugten Ausführungsform können als derartige Vektoren sogenannte Sekretionsvektoren dienen, die die Expression eines Fusionsproteins zwischen DFPase und einem Signalpeptid ermöglichen, wobei das Signalpeptid dafür verantwortlich ist, daß das Protein durch die Zellmembran geschleust wird und bei der Sekretion durch Signalpeptidasen exakt von der DFPase getrennt wird. Als Signalpeptide kommen z. B. ein pelB-, α - oder PH01-Signalpeptid in Frage. Die Verknüpfung der DFPase mit derartigen Signalpeptiden ist vorteilhaft, um die Bildung von "Inclusion bodies", d. h. DFPase-Aggregaten innerhalb der Zelle zu verhindern und größere Mengen an Protein in den periplasmatischen Raum oder das Medium zu schleusen.

Die vorliegende Erfindung betrifft des weiteren eine Zelle, die mit einer erfindungsgemäßen DNA-Sequenz oder einem erfindungsgemäßen Vektor transformiert ist. Diese Zelle kann z. B. eine prokaryontische Zelle sein, vorzugsweise eine gram-negative prokaryontische Zelle, besonders bevorzugt eine Eubakterienzelle sein. In einer Ausführungsform ist diese Zelle eine *E. coli*-Zelle. Die Transformation prokaryontischer Zellen mit exogenen Nucleinsäuresequenzen ist dem Fachmann auf dem Gebiet der Molekularbiologie geläufig. Die erfindungsgemäße Zelle kann aber

auch eine eukaryontische Zelle sein wie etwa eine Pilzzelle (z. B. Hefe), eine tierische oder pflanzliche Zelle. Bevorzugte eukaryontische Expressionssysteme sind z. B. *Pichia pastoris* oder *Saccharomyces cerevisiae*. Die Transformation bzw. Transfektion eukaryontischer Zellen mit exogenen Nucleinsäuresequenzen ist dem Fachmann auf dem Gebiet der Molekularbiologie geläufig und muß daher nicht näher erläutert werden.

Durch die Bereitstellung der o. g. Proteine, DNA-Sequenzen, Vektoren und transformierten Zellen wird die großtechnische Produktion eines Enzyms mit DFPase-Aktivität möglich. Hierdurch wird erstmals die Möglichkeit eröffnet, auf einfache, wirtschaftliche und umweltverträgliche Art und Weise große Mengen an Acetylcholinesterase-Hemmstoffen abzubauen.

Hierbei kann die DFPase durch rekombinante DNA-Technologie als Bestandteil eines Extrakts aus dem Wirtsorganismus oder in isolierter und gereinigter Form, z. B. durch Expression in *E. coli* erhalten werden. Die erfindungsgemäße Verwendung einer solchen DFPase besteht im Abbau von P-F-Bindungen oder der Grundformel entsprechenden P-Y-Bindungen enthaltenden Acetylcholinesterase-Hemmstoffen. Vorzugsweise kann hierzu die gereinigte und isolierte DFPase, z. B. zur technischen Spaltung von P-Y-Bindungen (entsprechend der Grundformel) enthaltenden Acetylcholinesterase-Hemmstoffen in einem Enzymreaktor eingesetzt werden. Die Immobilisierung von Enzymen in einem derartigen Reaktor ist dem Fachmann geläufig und muß daher an dieser Stelle nicht ausführlich beschrieben werden. Denkbar ist unter anderem die Einpolymerisierung der DFPase in Schaumstoffe, wie z. B. Polyurethan-Schäume.

Eine andere Ausführungsform der Verwendung ist z. B. der Einsatz der DFPase in einem intakten Mikroorganismus, welcher z. B. zur Dekontamination von Böden im Freiland eingesetzt werden kann, bevorzugt werden hierbei transformierte Bodenbakterien eingesetzt.

Eine weitere erfindungsgemäße Verwendung besteht darin, daß eine erfindungsgemäße DFPase in einem Schaum eingesetzt wird, wobei der Schaum als Träger und/oder Benetzersubstanz wirkt. Ein solcher Schaum kann ein Tensidschaum sein, der u. a.

zur Dekontamination von Böden, Flächen, wertvollen Geräten oder dergl. eingesetzt werden kann. In manchen Fällen kann auch ein einfaches Besprühen, also die Applikation als Aerosol ausreichen. Der Einsatz in Schaumform ist dann nicht zwingend notwendig.

5 Denkbar ist also die Verwendung der DFPase in stationär arbeitenden Verfahren, die sich z. B. Reaktoren bedienen, als auch die Verwendung der DFPase in mobilem Einsatz bei der Dekontamination von Geräten oder großen Freilandflächen. Weitere erfindungsgemäße Ausführungsformen der Verwendung der DFPase können daher auch in der Detoxifizierung belasteter Gewässer oder des Trinkwassers liegen. Eine
10 Immobilisierung des Enzyms zur Verwendung desselben als stationäre Phase in einem Reaktor kann z. B. durch kovalente Verknüpfung des Enzyms an einen festen Träger erfolgen.

Der kodierenden cDNA kann ein "His-Tag" angefügt werden, welches die Produktion
15 einer modifizierten DFPase ermöglicht. Diese modifizierte DFPase ist in der Lage, an Nickel-NTA-modifiziertes Trägermaterial zu binden. Handelt es sich beim Nickel-NTA-modifizierten Trägermaterial um das Füllmaterial einer Trennsäule, so kann diese Methode zur Aufreinigung der DFPase dienen.

20 Des weiteren können Textilien mit dem Enzym durch kovalente oder nicht-kovalente Verknüpfung imprägniert werden, um als Schutzkleidung zu dienen.

Eine erfindungsgemäße Verwendung kann auch in neuartigen Detektionsmethoden bestehen, z. B. der Biosensorik. Hierbei dient die DFPase als Rezeptor, der auf einem
25 "Transducer" immobilisiert ist. Spaltet die DFPase den zu detektierenden Analyt, d. h. die oben beschriebenen Substrate, so wird das biologische Signal in ein entsprechendes meßbares elektrisches Signal umgewandelt, das durch eine elektronische Komponente verstärkt wird. Das Endsignal steht im allgemeinen im Zusammenhang mit der Menge und/oder Art des Analyten. Die DFPase als Rezeptor
30 kann hierbei in reiner isolierter Form oder in der sie exprimierenden Zelle vorliegen. Als "Transducer" kommen die dem Fachmann auf dem Gebiet der Biosensorik bekannten Überträger-Komponenten in Frage.

Eine weitere erfindungsgemäße Verwendung liegt in der Bereitstellung von Arzneimitteln, welche als Wirkstoff die DFPase enthalten und dadurch in der Lage sind, zu einer Entgiftung bzw. Behandlung eines P-Y-Bindungen enthaltenden Acetylcholinesterase-Hemmstoff vergifteten Menschen oder Tiers beizutragen. Hierbei kommt
5 neben der lokalen Applikation auch die parenterale oder perorale Applikation in Frage.

Ein weiterer Gegenstand der vorliegenden Erfindung ist ein Verfahren zur Herstellung einer DFPase, bei welchem diese durch eine erfindungsgemäße Zelle produziert wird.
10 Dieses Verfahren steht damit einer chemischen Komplett-Synthese der DFPase gegenüber. Beim erfindungsgemäßen Verfahren der Herstellung einer DFPase durch eine transformierte Zelle gehen der Transformation mit einem Expressionsvektor folgende Arbeitsschritte voraus,

- 15 (1) Isolierung der mRNA von *Loligo vulgaris* aus deren sofort nach der Tötung entnommenen Kopfganglien, welche sofort in flüssigem Stickstoff tiefzufrieren sind,
- (2) Aufreinigung der mRNA mittels Affinitätschromatographie an einer oligo-(dT)-
20 Cellulosesäule,
- (3) Übersetzung der mRNA in cDNA,
- (4) Klonierung der cDNA in λ -Phagen ,
25
- (5) Auffinden der die genetische Information der DFPase enthaltenden λ -Phagen mittels degenerierter Sonden, unter Verwendung der Polymerase-Kettenreaktion,
- 30 (6) Amplifikation der genetischen Information mittels der Polymerase-Kettenreaktion,

(7) Überführen der genetischen Information in einen Expressionsvektor.

Bei diesem Verfahren sind verschiedene Schwierigkeiten zu überwinden gewesen, die der Fachmann auf dem Gebiet der Gentechnik nicht mit den ihm zur Verfügung
5 stehenden Standardtechniken hätte lösen können. So war es z. B. nicht offensichtlich, jedoch zwingend notwendig, daß die Isolierung der mRNA aus *Loligo vulgaris* aus den Kopfganglien eines frisch getöteten Tieres erfolgt, wobei die Kopfganglien sofort nach ihrer Entnahme in flüssigem Stickstoff zu lagern sind. Verfährt man nicht in dieser Weise, sind die Chancen, eine "full length"-mRNA der DFPase zu isolieren,
10 nahezu null. Die geringe Anzahl der DFPase kodierenden mRNA-Moleküle macht es darüber hinaus zwingend notwendig, die Technik der Polymerase-Kettenreaktion anzuwenden. Zum Auffinden der genetischen Information in der cDNA-Bank mußten des weiteren hochspezifische Sonden entwickelt werden, die in langen Bereichen mit der cDNA aus *Loligo vulgaris* übereinstimmen mußten. Die Synthese dieser Sonden
15 wurde darüber hinaus dadurch erschwert, daß zum Zeitpunkt der Erfindung keine längeren Proteinsequenzen der DFPase aus *Loligo vulgaris* bekannt waren, welche es ermöglicht hätten, hochspezifische Sonden zu synthetisieren. Erst durch die Sequenzinformation, die in der vorliegenden Erfindung zur Verfügung gestellt wird, ist der Fachmann auf dem Gebiet der Molekularbiologie in der Lage, derartige Sonden in
20 einfacher Weise zu synthetisieren.

Das folgende Beispiel soll zur Veranschaulichung der Erfindung dienen.

Beispiel

Isolierung der Kopfganglien aus *Loligo vulgaris* bis zur Expression rekombinanten Proteins in *Escherichia coli*:

- (1) Zur Isolierung der Kopfganglien wird der Kopf des Tintenfisches vom Eingeweidesack getrennt und die Tentakeln werden entfernt. Anschließend wird
30 die Epidermis leicht angehoben, um einen Schnitt anzusetzen, der von der Mundhöhle zum Hinterkopf führt. Die Kopfkapsel und das Auge werden freigelegt. Nach Entfernung sämtlicher Nervenstränge wird das Gehirngewebe

entnommen. Sofort nach der Isolierung wird das Gehirngewebe in flüssigen Stickstoff überführt und bis zur RNA-Präparation bei -196 °C gelagert.

Alle Glasgeräte werden für 4 Stunden bei 250 °C getrocknet. Alle Lösungen werden soweit wie möglich mit Diethylpyrocarbonat behandelt. Das Gehirngewebe wird in einen mit flüssigem Stickstoff gefüllten Mörser überführt und zu einer homogenen Paste zerrieben. Das Gewebe wird anschließend in einen Citratpuffer überführt, der Guanidiniumthioisocyanat, β -Mercaptoethanol und N-Laurylsarcosin enthält. Zur Auflösung kleiner noch vorhandener Zellstücke wird das gewonnene Zellysate in einem Glaspotter homogenisiert. Vor Durchführung der Ultrazentrifugation werden noch vorhandene Gewebeteilchen durch eine Zentrifugation aus dem Homogenisat entfernt. Anschließend wird zur Abtrennung der RNA von den anderen Zellbestandteilen eine Ultrazentrifugation mit einem Cäsiumchloridgradienten durchgeführt. Das Pellet der Zentrifugation wird mit Ethanol gewaschen und nach dem Lösen in Wasser mehrmals mit Phenol/Chloroform extrahiert. Zur Kontrolle von Qualität und Quantität der RNA werden übliche Nachweise durchgeführt.

(2) Die Anreicherung der mRNA erfolgt durch eine Affinitätschromatographie an Oligo-(dT)-Cellulose. Hierfür wird nach der Herstellung einer Affinitätschromatographiesäule die Gesamt-RNA erwärmt und anschließend im Eisbad abgekühlt. Nach Auflösen der Sekundärstrukturen wird die Gesamt-RNA bei hohen Salzkonzentrationen auf die Oligo-(dT)-Cellulosesäule aufgetragen. Hierbei wird die Poly-(A⁺)-RNA spezifisch am Trägermaterial gebunden. Um die Ausbeute an mRNA zu erhöhen, wird vorteilhafterweise das Eluat aufgefangen, erneut denaturiert und wiederum aufgebracht. Die Säule mit der daran gebundenen Poly-(A⁺)-RNA wird mit Ladungs- und Waschpuffer gespült. Von der beladenen Oligo-(dT)-Cellulose wird die Poly-(A⁺)-RNA durch eine Lösung mit geringer Salzkonzentration eluiert und die geeigneten Fraktionen spektralphotometrisch bestimmt.

(3) Zur Erststrangsynthese der cDNA wird ein Oligo-(dT)-Primer verwendet, der

neben der für die Bindung benötigten Poly-(dT)-Sequenz eine *XhoI*-Schnittstelle und eine "GAGA"-Sequenz enthält. Nach Bildung des Hybrids wird durch die reverse Transkriptase ein zur mRNA komplementärer DNA-Strang synthetisiert. Für diese Reaktion wird wegen ihrer geringeren RNase H-Aktivität, der
5 höheren Prozessivität und der geringeren Inhibierbarkeit durch Poly-(A)-RNA die reverse Transkriptase aus Moloney Mäuseleukämievirus (M-MuL VRT) verwendet. Zum Schutz vor einem Restriktionsenzymverdau in der Synthese wird für den Erststrang ein Gemisch aus dATP, dGTP, dTTP und 5-Methyl-dCTP verwendet. Nach der Synthese wird für die ersten Replikationsrunden der
10 *Escherichia coli* Bakterienstamm PKL-F' benutzt, der die genetischen Marker *mcrA* und *mcrB* trägt.

Im Anschluß an die Synthese des Erststrangs der cDNA wird der Zweitstrang nach dem Verfahren von Gubler und Hoffman synthetisiert. Zunächst wird mit
15 der Endoribonuklease RNase H die RNA des RNA:DNA-Doppelstrangs gespalten. Hierbei entstehen Oligoribonukleotide mit 5'-Phosphat und 3'-Hydroxy-Enden, die von der DNA-Polymerase I erkannt und als Starter der DNA-Synthese benutzt werden.

Um den erhaltenen DNA-Doppelstrang in einen geeigneten Vektor einklonieren zu können, werden in einem ersten Schritt überhängende Enden der DNA-
20 Stränge durch Behandlung mit T4 DNA-Polymerase aufgefüllt. Anschließend werden mit Hilfe der T4 DNA-Ligase die Enden der cDNA mit *EcoR I*-Adaptoren versehen. Hierbei wird ein Gemisch eines phosphorylierten 9mer- und eines dephosphorylierten 13mer-Oligodesoxyribonukleotids verwendet.
25 Nach Hitzeinaktivierung der Ligase werden die überstehenden 5'-Enden durch die T4 Polynukleotid-Kinase phosphoryliert und der DNA-Doppelstrang mit dem Restriktionsenzym *XhoI* nachgeschnitten. Durch die Verwendung zweier unterschiedlicher Restriktionsschnittstellen an den Enden der cDNA ist eine
30 gerichtete Klonierung in einen geeigneten Vektor möglich.

(4) Die erhaltene cDNA wird in die Vektorarme des λ -Bakteriophagen einkloniert.

Durch *in vitro*-Verpackung in vorgefertigte Phagenköpfe und Inkubation mit unterschiedlichen Zellextrakten von Phagenmutanten erhält man lebensfähige Bakteriophagen. Es werden zwei cDNA-Banken mit unterschiedlich hoher Anzahl von rekombinaten Vektormolekülen erstellt, die als Ausgangspunkte der weiteren Arbeiten dienen.

- (5) Zur Durchmusterung der beiden cDNA-Banken nach der genetischen Information der Diisopropylfluorophosphatase werden aus der zuvor aufgeklärten Teilinformation der Aminosäuresequenz des Proteins - unter Zuhilfenahme weiterer Techniken - Oligodesoxyribonukleotide entworfen, die eine größtmögliche Übereinstimmung mit der cDNA-Sequenz des Proteins haben sollten. Unter Verwendung der Polymerase-Kettenreaktion können mit einem sequenzspezifischen Oligodesoxyribonukleotid - der Sequenz 5'-TTC-CAA-TTC-CCI-AAT-GGI-ATT-GCT-GT-3' - unter sehr stringenten Bedingungen Produkte erzeugt werden. In den PCR-Experimenten zur Identifikation der Diisopropylfluorophosphatase aus *Loligo vulgaris* werden zwei Oligodesoxyribonukleotide verwendet. Das erste Oligodesoxyribonukleotid besteht aus einer Sequenz des λ -Bakteriophagen, welche an die einklonierte cDNA-Sequenz anschließt. Das zweite Oligodesoxyribonukleotid, welches in einigen Positionen Inosin enthält, leitet sich aus der aufgeklärten Proteinsequenz ab und ist deshalb für die Diisopropylfluorophosphatase aus *Loligo vulgaris* spezifisch.

In den cDNA-Banken kann ein Produkt mit einer Länge von 550 Bp aufgespürt werden. Nach Isolierung und Aufreinigung des Produkts der Polymerase-Kettenreaktion kann die enthaltene DNA-Information in Sequenzierungsversuchen entschlüsselt werden. Durch die Verwendung von Oligodesoxyribonukleotiden, die aus der bereits bekannten DNA-Sequenz abgeleitet sind, kann die Sequenzierung beider DNA-Stränge des cDNA-Inserts erfolgen. Durch Vergleich des aus der DNA-Sequenzierung ermittelten Leserasters mit den zuvor bestimmten Proteinsequenzen kann nachgewiesen werden, daß es sich bei dem untersuchten 550 Bp-Fragment um eine Teilsequenz der gesuchten

Diisopropylfluorophosphatase aus *Loligo vulgaris* handelt.

Ausgehend von dieser Teilsequenz des Enzyms kann die gesamte cDNA-Sequenz der Diisopropylfluorophosphatase mit einer Gesamtlänge von 1210 Bp aufgeklärt werden. Charakterisiert wird diese DNA-Sequenz durch einen etwa 210 Bp langen Bereich am 5'-Ende, der keine kodierende DNA-Sequenz enthält. Der offene Leseraster besteht aus 942 Bp und kodiert für ein Protein mit 314 Aminosäuren, das ein Molekulargewicht von ungefähr 35 kDa besitzt.

- (6) Zum Aufbau eines Expressionssystems wird der offene Leserahmen des Enzyms mittels flankierender Oligodesoxyribonukleotide in einer Polymerase-Kettenreaktion amplifiziert. Zusätzlich zu der sequenzspezifischen Information des Proteins enthalten die Oligodesoxyribonukleotide Restriktionsschnittstellen, die eine Klonierung in ein Expressionssystem vereinfachen. Auf der 5'-Seite der Information wird eine *Nco I*-Schnittstelle, auf der 3'-Seite der DNA eine *Hind III*-Schnittstelle eingefügt. Das Produkt der Polymerase-Kettenreaktion wird mittels der *Pfu*-Taq-Polymerase "gebluntet", über ein Agarosegel gereinigt, isoliert und in den geöffneten Vektor pCR-Script SK(+) umgesetzt.
- (7) Nach Selektion der Plasmide, die die gesuchte genetische Information enthalten, wird diese mit *Nco I* / *Hind III* herausgeschnitten und in einen Expressionsvektor mit *trc*-Promotorsystem umgesetzt. Durch Expression in diesem System können 150 - 200 mg rekombinante und biologisch aktive Diisopropylfluorophosphatase pro Liter Medium gewonnen werden.

ANSPRÜCHE

1. Diisopropylfluorophosphatase, gekennzeichnet durch nachstehende Aminosäuresequenz

```

Met Glu Ile Pro Val Ile Glu Pro Leu Phe Thr Lys Val Thr Glu Asp
1      5      10      15
Ile Pro Gly Ala Glu Gly Pro Val Phe Asp Lys Asn Gly Asp Phe Tyr
20     25     30
Ile Val Ala Pro Glu Val Glu Val Asn Gly Lys Pro Ala Gly Glu Ile
35     40     45
Leu Arg Ile Asp Leu Lys Thr Gly Lys Lys Thr Val Ile Cys Lys Pro
50     55     60
Glu Val Asn Gly Tyr Gly Gly Ile Pro Ala Gly Cys Gln Cys Asp Arg
55     70     75     80
Asp Ala Asn Gln Leu Phe Val Ala Asp Met Arg Leu Gly Leu Leu Val
85     90     95
Val Gln Thr Asp Gly Thr Phe Glu Glu Ile Ala Lys Lys Asp Ser Glu
100    105    110
Gly Arg Arg Met Gln Gly Cys Asn Asp Cys Ala Phe Asp Tyr Glu Gly
115    120    125
Asn Leu Trp Ile Thr Ala Pro Ala Gly Glu Val Ala Pro Ala Asp Tyr
130    135    140
Thr Arg Ser Met Gln Glu Lys Phe Gly Ser Ile Tyr Cys Phe Thr Thr
145    150    155    160
Asp Gly Gln Met Ile Gln Val Asp Thr Ala Phe Gln Phe Pro Asn Gly
165    170    175
Ile Ala Val Arg His Met Asn Asp Gly Arg Pro Tyr Gln Leu Ile Val
180    185    190
Ala Glu Thr Pro Thr Lys Lys Leu Trp Ser Tyr Asp Ile Lys Gly Pro
195    200    205
Ala Lys Ile Glu Asn Lys Lys Val Trp Gly His Ile Pro Gly Thr His
210    215    220
Glu Gly Gly Ala Asp Gly Met Asp Phe Asp Glu Asp Asn Asn Leu Leu
225    230    235    240
Val Ala Asn Trp Gly Ser Ser His Ile Glu Val Phe Gly Pro Asp Gly
245    250    255
Gly Gln Pro Lys Met Arg Ile Arg Cys Pro Phe Glu Lys Pro Ser Asn
260    265    270
Leu His Phe Lys Pro Gln Thr Lys Thr Ile Phe Val Thr Glu His Glu
275    280    285
Asn Asn Ala Val Trp Lys Phe Glu Trp Gln Arg Asn Gly Lys Lys Gln
290    295    300
Tyr Cys Glu Thr Leu Lys Phe Gly Ile Phe
305    310

```

oder eine durch Deletion, Insertion und/oder Substitution einer oder mehrerer Aminosäuren ableitbare Sequenz.

2. DNA-Sequenz, die eine DNA-Sequenz umfaßt, die für ein Polypeptid mit einer DFPase-Aktivität kodiert, wobei das kodierte Polypeptid nachstehende Aminosäure-Sequenz

```

Met Glu Ile Pro Val Ile Glu Pro Leu Phe Thr Lys Val Thr Glu Asp
1      5      10      15
Ile Pro Gly Ala Glu Gly Pro Val Phe Asp Lys Asn Gly Asp Phe Tyr
      20      25      30
Ile Val Ala Pro Glu Val Glu Val Asn Gly Lys Pro Ala Gly Glu Ile
      35      40      45
Leu Arg Ile Asp Leu Lys Thr Gly Lys Lys Thr Val Ile Cys Lys Pro
      50      55      60
Glu Val Asn Gly Tyr Gly Gly Ile Pro Ala Gly Cys Gln Cys Asp Arg
      65      70      75      80
Asp Ala Asn Gln Leu Phe Val Ala Asp Met Arg Leu Gly Leu Leu Val
      85      90      95
Val Gln Thr Asp Gly Thr Phe Glu Glu Ile Ala Lys Lys Asp Ser Glu
      100      105      110
Gly Arg Arg Met Gln Gly Cys Asn Asp Cys Ala Phe Asp Tyr Glu Gly
      115      120      125
Asn Leu Trp Ile Thr Ala Pro Ala Gly Glu Val Ala Pro Ala Asp Tyr
      130      135      140
Thr Arg Ser Met Gln Glu Lys Phe Gly Ser Ile Tyr Cys Phe Thr Thr
      145      150      155      160
Asp Gly Gln Met Ile Gln Val Asp Thr Ala Phe Gln Phe Pro Asn Gly
      165      170      175
Ile Ala Val Arg His Met Asn Asp Gly Arg Pro Tyr Gln Leu Ile Val
      180      185      190
Ala Glu Thr Pro Thr Lys Lys Leu Trp Ser Tyr Asp Ile Lys Gly Pro
      195      200      205
Ala Lys Ile Glu Asn Lys Lys Val Trp Gly His Ile Pro Gly Thr His
      210      215      220
Glu Gly Gly Ala Asp Gly Met Asp Phe Asp Glu Asp Asn Asn Leu Leu
      225      230      235      240
Val Ala Asn Trp Gly Ser Ser His Ile Glu Val Phe Gly Pro Asp Gly
      245      250      255
Gly Gln Pro Lys Met Arg Ile Arg Cys Pro Phe Glu Lys Pro Ser Asn
      260      265      270
Leu His Phe Lys Pro Gln Thr Lys Thr Ile Phe Val Thr Glu His Glu
      275      280      285
Asn Asn Ala Val Trp Lys Phe Glu Trp Gln Arg Asn Gly Lys Lys Gln
      290      295      300
Tyr Cys Glu Thr Leu Lys Phe Gly Ile Phe
      305      310

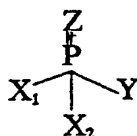
```

oder eine durch Deletion, Insertion und/oder Substitution einer oder mehrerer Aminosäuren ableitbare Sequenz besitzt.

3. DNA-Sequenz gemäß Anspruch 2, die folgende Basensequenz enthält oder umfaßt:

ATGGAAATTC CAGTTATCGA ACCTCTTTTC ACAAAAGTGA CCGAAGATAT ACCAGGTGCA	60
GAGGGTCCCG TTTTGTGACAA AAATGGCGAT TTTTATATCG TGGCCCCCGA AGTTGAAGTT	120
AACGGAAAC CGGCGGGAGA AATTCTACGA ATCGATTTGA AACAGGAAA GAAAAGTGTG	180
ATCTGCAAC CAGAAGTTAA TGTTATGGA GGAATTCCTG CTGGCTGCCA ATGTGATCGA	240
GATGCCAACC AGCTGTTTGT GGCCGACATG AGACTCGGCT TGTGCTCGT GCAAAGTGTG	300
GGGACCTTTG AAGAGATTGC CAAAAAGAC TCTGAAGGTA GAAGAATGCA GGGATGCAAT	360
GATTGCGCAT TTGATTATGA AGGTAAGTTG TGGATCACTG CACCAGCTGG GGAAGTGGCA	420
CCTGCAGACT ACACCCGTTT AATGCAGGAA AAATTTGGCA GTATTTACTG CTTCACAACA	480
GATGGTCAAA TGATTCAAGT GGATACTGCT TTCCAGTTTC CAAATGGTAT TGCTGTTTCT	540
CACATGAACG ATGGCCGTCC TTACCAACTA ATTGTGGCTG AACTCCAAC CAAGAAAGTC	600
TGGAGTTATG ATATCAAAGG TCCAGCAAAG ATTGAAAACA AGAAAGTGTG GGGTCACATC	660
CCAGGTACTC ATGAAGGTGG TGCTGATGGA ATGGATTTTG ATGAAGACAA TAACCTTTTG	720
GTAGCCAACT GGGGGAGCTC ACACATCGAA GTGTTCTGGC CAGATGGGGG ACAGCCTAAA	780
ATGAGAATCC GTTGCCCATT TGAAAAACCC AGCAACTTGC ATTTCAAGCC CCAGACCAAA	840
ACCATTTTGT TCACGGAACA CGAGAACAAT GCTGTCTGGA AGTTTGAATG GCAAAGAAAT	900
GGCAAAAAAC AGTATTGTGA GACGTTAAAA TTTGGAATAT TT	942

4. Vektor, dadurch gekennzeichnet, daß er mindestens eine Kopie einer DNA-Sequenz nach einem der Ansprüche 2 oder 3 enthält.
5. Zelle, dadurch gekennzeichnet, daß sie mit einer DNA-Sequenz nach Anspruch 2 oder 3 oder einem Vektor nach Anspruch 4 transformiert ist.
6. Zelle nach Anspruch 5, die eine transformierte E. coli-Zelle ist.
7. Zelle nach Anspruch 5, die ein Bodenbakterium oder ein eukaryontisches Zellsystem ist.
8. Verfahren zur Herstellung einer DFPase gemäß Anspruch 1, bei welchem diese durch eine Zelle gemäß einem der Ansprüche 5, 6 oder 7 produziert wird.
9. Verwendung einer DFPase nach Anspruch 1 zum Abbau von P-Y-Bindungen enthaltenden Acetylcholinesterasehemmstoffen der folgenden Grundstruktur

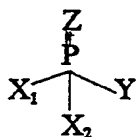


wobei Z für Sauerstoff oder Schwefel, Y für eine Säureanhydridgruppe, insbesondere eine F- oder CN-Gruppe oder für eine Estergruppe, insbesondere eine Thioester-, Enolester- oder p-Nitrophenylestergruppe, sowie X₁ und X₂ für eine geradkettige, verzweigte oder cyclische, 1 bis 15 Kohlenstoffatome enthaltende, Alkoxy-, Alkyl-, Aryl-, Alkylamino- oder Dialkylaminogruppe steht, und X₁ und X₂ gleich oder verschieden sind.

10. Verwendung gemäß Anspruch 9, wobei die DFPase auf oder in einem Trägermaterial immobilisiert ist.
11. Verwendung gemäß Anspruch 9 oder 10, wobei die DFPase in einem

Enzymreaktor eingesetzt wird.

12. Verwendung gemäß Anspruch 10, wobei die DFPase in Substanz oder in einem immobilisierten transformierten DFPase produzierenden Mikroorganismus vorliegt und die DFPase als Rezeptor in einem Biosensoraufbau fungiert.
13. Verwendung gemäß Anspruch 9, wobei die DFPase in Form einer ein Aerosol bildenden Sprühflüssigkeit zur Dekontamination eingesetzt wird.
14. Verwendung gemäß Anspruch 9, wobei die DFPase in einem Tensidschaum zur Dekontamination eingesetzt wird.
15. Verwendung gemäß einem der Ansprüche 13 oder 14, wobei Böden oder Geräte dekontaminiert werden.
16. Verwendung gemäß Anspruch 9, wobei Trinkwasser oder Gewässer dekontaminiert werden.
17. Verwendung gemäß Anspruch 9, zur Herstellung eines Arzneimittels gegen Vergiftungen mit P-Y-Bindungen enthaltenden Acetylcholinesterasehemmern der folgenden Grundstruktur



wobei Z für Sauerstoff oder Schwefel, Y für eine Säureanhydridgruppe, insbesondere eine F- oder CN-Gruppe oder für eine Estergruppe, insbesondere eine Thioester-, Enolester- oder p-Nitrophenylestergruppe, sowie X₁ und X₂ für eine geradkettige, verzweigte oder cyclische, 1 bis 15 Kohlenstoffatome enthaltende, Alkoxy-, Alkyl-, Aryl-, Alkylamino- oder Dialkylaminogruppe steht, und X₁ und X₂ gleich oder verschieden sind.

18. Verwendung gemäß Anspruch 17, wobei sich das Arzneimittel zur lokalen, parenteralen oder peroralen Applikation eignet.
19. Verwendung gemäß Anspruch 9, wobei das Trägermaterial ein textiles Material ist.